

BMR Genomics srl

Corsi di Formazione 2014

Sono uscite le date dell'apprezzato e consolidato corso di bioinformatica per tutti, che fornisce le basi teoriche, il linguaggio e gli strumenti operativi per iniziare ad analizzare autonomamente dati prodotti dal sequenziamento di nuova generazione.

A chi si rivolge il corso

Il corso si rivolge a laureati in materie biologiche che abbiano il desiderio di avvicinarsi all'analisi dei dati di next generation sequencing.

Programma del corso

- Introduzione all'ambiente Linux
- Uso del terminale (shell) e principali comandi
- Principali formati (FASTQ, SAM, VCF)
- Principali programmi in uso ne (bwa, GATK...)
- Programmazione con Perl
- Creazione e gestione di banche dati con MySQL

Le lezioni partono sempre da casi concreti, fra cui: sequenziamento di esomi, RNA-Seq e analisi di ampliconi 16S.

Durata e modalità

Il corso è intensivo e dura cinque giorni (consecutivi), dalle 9.30 della mattina alle 17.30 del pomeriggio. Le lezioni teoriche sono sempre seguite da esercitazioni pratiche con tutor.

Prerequisiti

- Uso basilare del computer
- Saper navigare in Internet
- Accesso alle principali banche dati

Il corso prevede l'uso di Linux (Ubuntu, o altra distribuzione). Gli istruttori possono fornire supporto per l'installazione di Linux nel proprio portatile, o fornirne uno per lo svolgimento del corso.

Corso di Bioinformatica

Dr. Marco Ritelli (aprile 2012)

Corso strutturato in maniera eccellente e che ha superato ogni mia aspettativa [...]

Dr. Massimiliano Babbucci (ottobre 2010)

Il corso è molto intenso ma ricco di stimoli e fornisce numerosi strumenti per facilitare l'analisi dell'enorme mole di dati [...]



Per informazioni:
nextgen@bmr-genomics.it